

## ข้อมูลบุคลากรสำหรับจัดทำเว็บไซต์ กตพ.

ชื่อ - สกุล (ภาษาไทย) ดร.รุ่งนภา พิทักษ์ตันสกุล  
(ภาษาอังกฤษ) Ms.Runghana Phitaktansakul, Ph.D.



ตำแหน่ง นักวิชาการเกษตรชำนาญการพิเศษ

### ความชำนาญเฉพาะด้าน

1. เทคโนโลยีชีวภาพด้านพืชและจุลินทรีย์
2. ชีวสารสนเทศศาสตร์ (Bioinformatics)
3. การตรวจสอบพืชและจุลินทรีย์ดัดแปลงพันธุกรรม
4. การปรับปรุงพันธุ์พืช
5. จุลินทรีย์และสาหร่าย

### งานวิจัย/ผลงานเผยแพร่

ปี (พ.ศ.)/(ค.ศ.)	ชื่องานวิจัย/ชื่อเรื่องผลงานเผยแพร่	อ้างอิง
2021	Multi-omics analysis reveals the genetic basis of rice fragrance mediated by <i>betaine aldehyde dehydrogenase 2</i> .	Journal of Advanced Research. <a href="https://doi.org/10.1016/j.jare.2021.12.004">https://doi.org/10.1016/j.jare.2021.12.004</a> (Impact Factor = 10.479)
2021	Haplotype Analysis of <i>BADH1</i> by Next-Generation Sequencing Reveals Association with Salt Tolerance in Rice during Domestication.	<i>Int. J. Mol. Sci.</i> 2021, 22, 7578. <a href="https://doi.org/10.3390/ijms22147578">https://doi.org/10.3390/ijms22147578</a> (Impact Factor = 5.923)
2020	Gene-to-metabolite study of <i>BADH2</i> with high-throughput analysis for precise fragrance control in rice.	The Korean Society of Breeding Science (KSBS) International Conference on Plant Digital Breeding. <a href="https://www.breeding.or.kr">https://www.breeding.or.kr</a>
2020	Genetic diversity of the rice fragrance gene ( <i>BADH2</i> ) in diverse wild rice base on DNA chip data.	The Korean Society of Breeding Science (KSBS) International Conference on Plant Digital Breeding. <a href="https://www.breeding.or.kr">https://www.breeding.or.kr</a>
ปี (พ.ศ.)/(ค.ศ.)	ชื่องานวิจัย/ชื่อเรื่องผลงานเผยแพร่	อ้างอิง
2020	Discovery of the novel fragrance alleles and development of functional SNP markers for breeding of fragrant rice.	The Korean Society of Breeding Science (KSBS) International

		Conference on Plant Digital Breeding. <a href="https://www.breeding.or.kr">https://www.breeding.or.kr</a>
2019	Genome-Wide Association Study for Squalene Contents and Functional Haplotype Analysis in Rice.	J. ACS Omega, 4, p19358–19365. <a href="https://doi.org/10.1021/acsomega.9b02754">https://doi.org/10.1021/acsomega.9b02754</a> (Impact Factor = 3.512)
2019	Signatures of differential selection in chloroplast genome between <i>japonica</i> and <i>indica</i> .	J. Rice. 12:65, p1-13. <a href="https://doi.org/10.1186/s12284-019-0322-x">https://doi.org/10.1186/s12284-019-0322-x</a> (Impact Factor = 3.912)
2019	Atlas of Omics Information on <i>Badh2</i> in Rice.	KSBS & SABRAO International Conference on Plant Breeding for Sustainable Development. Republic of Korea.
2019	Haplotype analysis of the <i>BADH1</i> gene and the association with salt tolerance in rice germination stage.	KSBS & SABRAO International Conference on Plant Breeding for Sustainable Development. Republic of Korea.
2019	Signatures of differential selection in chloroplast genome between <i>japonica</i> and <i>indica</i> .	KSBS & SABRAO International Conference on Plant Breeding for Sustainable Development. Republic of Korea.
2019	Integration of Genome-Wide/Transcriptome-Wide Studies and eQTL Analysis on Preharvest Sprouting Trait from 378 Asian Cultivated Rice.	KSBS & SABRAO International Conference on Plant Breeding for Sustainable Development. Republic of Korea.
<b>ปี</b> (พ.ศ.)/(ค.ศ.)	<b>ชื่องานวิจัย/ชื่อเรื่องผลงานเผยแพร่</b>	<b>อ้างอิง</b>
2019	Submergence 1 ( <i>SUB1</i> ) Gene Diversity in 475 accessions of rice genetic resources.	KSBS & SABRAO International Conference on Plant Breeding for Sustainable Development. Republic of Korea.
2019	The genetic diversity related to vitamin E biosynthesis pathway using cultivated rice DNA chip data.	KSBS & SABRAO International Conference on Plant Breeding for Sustainable Development. Republic of Korea.

2019	Identification of eQTLs of a bacterial leaf blight resistance gene ( <i>Xa39</i> ) using RNA-Seq data of Korean rice core set.	KSBS & SABRAO International Conference on Plant Breeding for Sustainable Development. Republic of Korea.
2019	Development of KNU Axiom <i>Oryza</i> 580K Genotyping Array.	KSBS & SABRAO International Conference on Plant Breeding for Sustainable Development. Republic of Korea.
2018	Whole genome sequencing revealed a novel fragrance allele and development functional SNP marker for breeding of fragrant rice.	Korean Breeding Society 2018 Conference.
2018	Haplotype analysis of betaine aldehyde dehydrogenase ( <i>Badh2</i> ) gene in cultivated and wild rice for aromatic rice breeding.	16 <sup>th</sup> International Symposium on Rice Functional Genomics. Sept.5-7, 2018. Tokyo, Japan.
2014	The utilization of molecular technique to study <i>Ganoderma</i> diversity in oil palm and para rubber.	The 1 <sup>st</sup> ASEAN Microbial Biotechnology Conference. 19-21 February. Bangkok, Thailand.
2009	Identification of Cyanobacteria in Coralloid Root of <i>Cycas</i> by 16S rRNA gene sequence.	International Microbial Biotechnology Conference and Workshop on Metagenome (IMBC 2008). 11 -13 November. Indonesia.
<b>ปี (พ.ศ.)/(ค.ศ.)</b>	<b>ชื่องานวิจัย/ชื่อเรื่องผลงานเผยแพร่</b>	<b>อ้างอิง</b>
2009	Biodiversity of Amylase Producing <i>Bacillus</i> spp. Using 16S rDNA and ISSR Techniques.	International Microbial Biotechnology Conference and Workshop on Metagenome (IMBC 2008). 11 -13 November. Indonesia.
2009	Diversity of <i>Saccharomycopsis fibuligera</i> in Thai rice wine starter by molecular techniques.	International Microbial Biotechnology Conference and Workshop on Metagenome (IMBC 2008). 11 -13 November. Indonesia.
2563	การพัฒนาชุดตรวจดีเอ็นเออย่างง่ายเพื่อใช้ตรวจลักษณะความหนาของกะลาปาล์มน้ำมันในระยะต้นกล้า	ผลงานวิจัยดีเด่น ประจำปี 2562 ระดับดี ประเภทงานวิจัยประยุกต์ กรมวิชาการเกษตร กระทรวงเกษตรและสหกรณ์ 30 กันยายน 2563
2559	การโคลนและวิเคราะห์ยีน <i>OsSKIPa</i> ของข้าวพันธุ์หอมมะลิ 105	วารสารวิชาการเกษตร ปีที่ 34 ฉบับที่ 1 มกราคม – เมษายน. 27 น.

2558	การใช้เทคโนโลยีชีวภาพเพื่อพัฒนาพันธุ์พืช จุลินทรีย์ และผลิตภัณฑ์ ผลิตภัณฑ์	หัวหน้าโครงการ : รายงานฉบับสมบูรณ์ โครงการวิจัยปี 2558. กรมวิชาการ เกษตร. 105 น.
2557	การคัดเลือกชนิดสาหร่ายขนาดเล็กที่เหมาะสมกับการผลิตเอทานอลโดยใช้เทคนิคชีวโมเลกุล	ผลงานวิจัยดีเด่น ประจำปี 2557 ของ สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ ประเภทงานวิจัยพื้นฐาน กรมวิชาการ เกษตร กระทรวงเกษตรและสหกรณ์ 13 สิงหาคม 2558
2556	การพัฒนา <i>Bacillus</i> sp. เพื่อใช้ในการผลิตเอนไซม์อะไมเลสโดยใช้เทคโนโลยีชีวภาพ.	ผลงานวิจัยดีเด่น กรมวิชาการเกษตร ประจำปี 2556 กรมวิชาการเกษตร. หน้า 1-26.
2553	การผลิตเอนไซม์อะไมเลสจากเชื้อจุลินทรีย์ที่เกี่ยวข้องกับการย่อยแป้ง	รายงานผลงานวิจัยประจำปี 2553 สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ กรม วิชาการเกษตร. หน้า 413-422.
2553	การศึกษาและตรวจสอบยีนที่ตรึงไนโตรเจน ( <i>nif</i> gene) จากเชื้อจุลินทรีย์ diazotrophs.	รายงานผลงานวิจัยประจำปี 2553 สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ กรม วิชาการเกษตร. หน้า 289-301.
<b>ปี (พ.ศ.)/(ค.ศ.)</b>	<b>ชื่องานวิจัย/ชื่อเรื่องผลงานเผยแพร่</b>	<b>อ้างอิง</b>
2553	การใช้เทคนิคทางชีวโมเลกุลศึกษาความหลากหลายของ <i>Ganoderma</i> ในป่าล้มไม้ และยางพารา.	รายงานผลงานวิจัยประจำปี 2553 สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ กรม วิชาการเกษตร. หน้า 337-345.
2553	การผลิตเอนไซม์อะไมเลสจากรีคอมบิแนนท์ดีเอ็นเอใน <i>Escherichia coli</i> .	รายงานผลงานวิจัยประจำปี 2553 สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ กรม วิชาการเกษตร. หน้า 423-448.
2553	ศึกษาวิธีการทาง Molecular technique ในการตรวจสอบ <i>Ganoderma</i> และหาเทคนิคในการตรวจสอบเชื้อโดยตรงจากดิน.	รายงานผลงานวิจัยประจำปี 2553 สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ กรม วิชาการเกษตร. หน้า 346-356.
2553	การโคลนยีนเซลลูเลสจากเห็ดเพื่อพัฒนาการผลิตเอนไซม์เซลลูเลสสำหรับผลิตเอทานอลจากชีวมวล	รายงานผลงานวิจัยประจำปี 2553 สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ กรม วิชาการเกษตร. หน้า 365-378.
2550	การโคลนยีนที่เกี่ยวข้องกับการสังเคราะห์ amylose / amylopectin.	รายงานผลงานวิจัยประจำปี 2551- 2552. สำนักวิจัยพัฒนา เทคโนโลยีชีวภาพ กรมวิชาการเกษตร. หน้า 156-173.
2550	สำรวจและรวบรวมเชื้อจุลินทรีย์ที่สามารถตรึงไนโตรเจนและละลายฟอสเฟตในพื้นที่ปลูกมันสำปะหลังโดยใช้เทคนิคชีวโมเลกุล	รายงานผลงานวิจัยประจำปี 2551- 2552. สำนักวิจัยพัฒนา เทคโนโลยีชีวภาพ กรมวิชาการเกษตร. หน้า 201-226

2550	การใช้เทคโนโลยีลายพิมพ์ดีเอ็นเอเพื่อการพิสูจน์พันธุ์ข้าวไทยสายพันธุ์ใหม่	รายงานผลงานวิจัยประจำปี 2549-2550. สำนักวิจัยพัฒนาเทคโนโลยีชีวภาพ กรมวิชาการเกษตร. หน้า 363-379.
2547	การจำแนกและศึกษาความสัมพันธ์ทางพันธุกรรมของสาหร่ายน้ำจืดขนาดเล็กโดยวิธีการหาลำดับเบสของ SSU rDNA.	ว.วิจัยวิทยาศาสตร์ (Section T) จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย. ปีที่ 3 ฉบับพิเศษ 1 (2547/2004) : 57-68.
2546	การจำแนกและศึกษาความสัมพันธ์ทางพันธุกรรมของสาหร่ายน้ำจืดขนาดเล็กโดยวิธีการหาลำดับเบสของ SSU rDNA.	การประชุมวิชาการสาหร่ายและแพลงก์ตอนแห่งชาติ ครั้งที่ 1. อาคารสารนิเทศ 50 ปี มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์. 11 หน้า.
ปี (พ.ศ.)/(ค.ศ.)	ชื่องานวิจัย/ชื่อเรื่องผลงานเผยแพร่	อ้างอิง
2546	ความหลากหลายของสาหร่ายน้ำจืดในแหล่งน้ำยูโทรฟิค และสภาวะที่เหมาะสมในการเจริญเติบโตของ <i>Microcystis aeruginosa</i> .	การประชุมวิชาการสาหร่ายและแพลงก์ตอนแห่งชาติครั้งที่ 1. 20-21 มีนาคม. หน้า 87.